

令和7年度 リカレント教育講座

オンライン開催
(ZOOM を使用)

生物統計とデータ解析

一部アーカイブ配信あり

“実践的な生物統計解析の手法”を学ぶ！

近年の遺伝子の読み取り技術の飛躍的な進展は、医学、健康科学、食品生産、環境科学など様々な分野で、大きな発展をもたらしています。これらの膨大な遺伝子データを解析するためには、複雑な統計学的手法の理解が必須です。本講座では、遺伝情報に関わる実践的な統計学、およびその解析法を理解し、データリテラシーの向上を目指します。

対象

日程

一般の方

2026年1月6日(火)～1月27日(火) 全15回

大学院生向け講義と同一授業です

講義日程

次世代シーケンサーデータの統計処理の基礎

講師 半田 佳宏 群馬大学客員教授 株式会社生物技研 取締役

1月 6日(火)	12:40～14:10	第1回	次世代シーケンサーとその技術
	14:20～15:50	第2回	アンプリコン解析
	16:00～17:30	第3回	ゲノム解析とメタゲノム解析
1月13日(火)	12:40～14:10	第4回	リシーケンシングとエピジェネティクス解析
	14:20～15:50	第5回	ジェノタイピング解析
	16:00～17:30	第6回	RNAseq解析
1月19日(月)	12:40～14:10	第7回	ISO-seq解析と生物情報学の学び方

具体的な解析手法の実例

講師 石井 俊一 群馬大学客員教授 国立研究開発法人海洋研究開発機構 主任研究員

1月20日(火)	12:40～14:10	第8回	環境微生物と情報学
	14:20～15:50	第9回	メタゲノムによる微生物群集構造解析
	16:00～17:30	第10回	メタゲノムからの培養を介さないゲノム抽出法
1月26日(月)	12:40～14:10	第11回	MAGを用いた機能解析
	14:20～15:50	第12回	電気微生物と情報学
	16:00～17:30	第13回	刺激応答型メタトランスクリプトーム解析
1月27日(火)	12:40～14:10	第14回	比較ゲノミクス
	14:20～15:50	第15回	マルチメタオミックスの最新の動向

申込締切 : 12月25日(木)15時まで

受講料 : 9,000 円

受講申し込みはこちら⇒

※ 電子メールでご連絡いたします

URL : <https://forms.gle/SMwijuPYiLaQeh456>



【お問合せ】

〒371-8510

群馬県前橋市荒牧町4-2

国立大学法人群馬大学

研究推進部産学連携推進課 荒牧センター事務局

☎ : 027-220-7449

✉ : shokukenkou-c@ml.gunma-u.ac.jp

